

Modélisation des domaines C2 des protéines kinase C alpha, beta et epsilon, et conception d'inhibiteurs in silico

Type de contenu : Texte

Type de médiation : b

Type de support : Ressource dématérialisée

Titre(s) : Modélisation des domaines C2 des protéines kinase C alpha, beta et epsilon, et conception d'inhibiteurs in silico / Médéric Rouault ; sous la direction de Raphaël Terreux

Est une reproduction de : Modélisation des domaines C2 des protéines kinase C alpha, beta et epsilon, et conception d'inhibiteurs in silico Médéric Rouault 2007 1 vol. (137 f.)

Auteur(s) : Rouault, Médéric (1984-....)

Autre(s) auteur(s) : Terreux, Raphaël
Université Claude Bernard Lyon

Editeur, producteur : 2007

Note sur le titre et les responsabilités : Titre provenant de la page de titre du document numérisé

Note sur la description matérielle : L'impression du document génère 146 p.

Note sur les bibliographies et les index : Bibliogr. f. 136-145

Note de thèses et écrits académiques : Reproduction de Thèse d'exercice Pharmacie Lyon 1 2007

Configuration requise : Nécessite un navigateur internet ; un lecteur de fichier PDF

Sujet - Nom commun : Protéine kinase C

Peptides

Modèles biologiques

Biologie expérimentale

Interactions protéine-protéine

Forme, genre ou caractéristiques physiques : Thèses et écrits académiques

Adresse électronique et mode d'accès : https://www.gedissa.org/main/document/document.php?cidReq=BSSA&id_session=0&gidReq=0&gradebook=0&origin=&action=download&id=115904