

Etude de la répartition des génotypes du virus de l'hépatite B en Aquitaine

Titre(s) : Etude de la répartition des génotypes du virus de l'hépatite B en Aquitaine [Texte imprimé] / par Mathieu Boutonnet,... ; sous la dir. du Professeur D. Neau

Auteur(s) : Boutonnet, Mathieu (1979-...)

Autre(s) responsabilité(s) : Neau, Didier (1963-....) (Directeur de thèse)
Université Bordeaux-II (1971-2013) - Organisme de soutenance

Editeur, producteur : [S. l.] : [s.n.], 2006

Description matérielle : 1 vol. (119 f.) : ill. ; 30 cm

Titre traduit ajouté par le catalogueur : Hepatitis B virus genotypes distribution in Aquitaine (Southwestern France) eng

Note sur disponibilité : Publication autorisée par le jury

Note sur les bibliographies et les index : Bibliogr. 110-114

Note de thèses et écrits académiques : Thèse d'exercice Médecine générale 2006 Bordeaux 2

Résumé ou extrait : Dans le monde, 2 milliards de personnes sont infectées par le virus de l'hépatite B (VHB). L'infection par le VHB est responsable de 520 000 décès par an il existe 8 génotypes du VHB. Buts . Déterminer la prévalence des génotypes du VHB dans la région Aquitaine. Décrire les caractéristiques démographiques et clinico-biologiques des patients en fonction du génotype VHB. Méthodes . 194 patients AgHBs positif (âge médian : 44,7 ans), vus entre Novembre 1999 et Mai 2004 au CHU de Bordeaux ont été inclus. L'origine ethnique est connue pour 143 patients : caucasiens 52,1 %, asiatiques 9,8 % et africains 11,9 %. 57 patients (29,4 %) sont infectés par le VIH. 82 patients (42,3 %) sont AgHBe positif. Le génotypage du VHB, les mutations pré-C et promoteur de core (BCP) ont été déterminés par séquençage. Résultats. La distribution des génotypes est : A 51 %, B 6,7 %, C 5,7 %, D 26,3 %, E 7,8 %, F 0,5 %, G 2 %. Les caucasiens sont surtout infectés par les génotypes A et D (69,3 % et 21,8 % respectivement), les asiatiques par les génotypes B et C (47,4 %, et 42,1 %) et les africains par les génotypes D et E (43,5 % et 39,1 %). Les génotypes A et D sont associés à une grande prévalence de la coinfection par le VIH (39,4 % et 25,5 %), alors que les patients avec des génotypes B et C semblent épargnés. Les génotypes A sont plus souvent sauvages alors que les génotypes D plus souvent mutants ($p = 0,01$). Le génotype A est associé à une plus forte prévalence de l'AgHBe (52,5 %) que le génotype D (33,3 %) ($p = 0,01$). Les mutants pré-core et BCP ont été retrouvés chez 33,5 % et 41,2 % des patients ; les mutants pré-core sont rares chez les génotypes A (7 %). Conclusion . La distribution des génotypes VHB diffère en fonction de l'origine ethnique des patients. Les génotypes A et D sont les plus fréquents en Aquitaine. Le génotype A est plus fréquent chez les patients AgHBe positif et dont le virus est sauvage alors que le génotype D est plus fréquent chez les patients AgHBe négatif et dont le virus est mutant.

Sujet - Nom commun : Virus de l'hépatite B -- Thèses et écrits académiques
Hépatite B -- Thèses et écrits académiques
Génotype -- Thèses et écrits académiques